

「PacBio Sequel IIe による高速・高精度ゲノム解読」

白澤 健太 博士

公益財団法人かずさDNA 研究所先端研究開発部 植物ゲノム・遺伝学研究室 ゲノムユニット長

PacBio Sequel システムの進化が止まらない。初代 Sequel の登場によりゲノムシーケンスのスピードが上がり、Sequel II により一層そのスピードが加速した。Sequel II から産出される HiFi リードはアセンブル精度の向上に大きく貢献し、ゲノム解読プロジェクト全体にかかる時間は短くなった。最近では Sequel IIe により HiFi リードの産出時間さえも短縮された。本ウェビナーでは、Sequel II/IIe システムにより高速・高精度化した新規ゲノム解読プロジェクトの現状について紹介したい。