## Dovetail Omni-C キットを用いたゲノム解析受託

久郷 和人

公益財団法人 かずさ DNA 研究所 ゲノム事業推進部 遺伝子構造解析グループ

## 要旨

Hi-C は網羅的に染色体領域間の相互作用を解析する技術で、遺伝子発現制御機構やゲノム動態を解析する手法として開発されてきた。ゲノム解析でも、do novo アセンブリやハプロタイプフェージングなどに利用されている。解析においては、ゲノム全体にわたって均一性の高いデータを取得することが重要であり、Dovetail Genomics 社の Omni-C キットを使用することで均一性の高いデータを得ることができる。かずさ DNA 研究所では、様々な生物種のゲノム解析を行ってきた実績があり、Dovetail Genomics 社の Omni-C キットも使用している。

かずさ DNA 研究所では、これまで培ってきたシーケンス技術を活かして、ショートリード およびロングリードの次世代シーケンサーを使用した全ゲノムシーケンス解析や RNA-Seq 解析をはじめとする様々なアプリケーションを提供している。本講演では、Dovetail Genomics 社の Omni-C キットを用いた解析を中心に受託解析について紹介する。