geneiou prim





第17回 ペア CRISPR サイトの検索

CRISPR/Cas9 ターゲティングの特異性を向上させる方法の一つとして、ターゲットサイトの反対 側の鎖に相補的な gRNA を持つ変異型 Cas9-D10A ニッカーゼを使用する方法があります。反対 側の鎖にある 2 つの個別のニックは、二本鎖切断をシミュレートした後、非相同末端結合を起こしま す。オフターゲットのニックは、塩基除去修復経路によってより高い忠実度で修復されるため、オフタ ーゲット相互作用を最小限に抑えることができます。

前回(<u>第16回 CRISPRサイトの検索結果</u>)に引き続き今回も Find CRISPR Sites を使用して、 Saccharomyces cerevisiae の LYP1 CDS 上のペアサイトを検索します。

チュートリアル用のデータは<u>こちら</u>からダウンロードすることができます。

LYP1 CDS のドキュメントを選択し、Annotate and Predict \rightarrow Find CRISPR sites へ進みます。

前回と同じ設定に加え、Pair CRISPR sites のボックスにもチェックを入れます。ペアサイトの最 大許容オーバーラップ量と、ペアサイト間の最大許容スペースを指定することができます。ペアサイト の最大オーバーラップ量とサイト間の最大スペースは、CRISPR サイトの 5' PAM 末端から測定さ れます。デフォルト値はそれぞれ 6 と 16 です。

Paired score で CRISPR トラックを色付けする場合には、Color CRISPR Sites by を Paired Score に設定します。

これでダイアログボックスは下の画像のようになります。OK をクリックすると検索が実行されます。

Find CRISPR Sites	×
Find CRISPR Targets: O Anywhere in sequence O Selected region PAM: NGG (SpCas9, 3' side)	
CRISPR Site	?
Activity scoring: Doench et al. (2016)	
Specificity Scoring	?
Score against an off-target database: 16 documents (16 sequences) - Yeast genome v Choose Maximum mismatches allowed against off-targets: 3 🗘	
Maximum mismatches allowed to be indels: 0 🗘	
✓ Pair CRISPR Sites Maximum overlap of paired sites: 6 Maximum allowed space between paired sites: 16	?
Color CRISPR Sites by: Paired Score	
🐼 ?	Cancel

解析が終了すると、3 組の CRISPR サイトを含む CRISPR サイトトラックが表示されるはずです。



Pair CRISPR sites オプションを使用すると、最大オーバーラップおよびサイト間の最大スペース 設定に適合するペアが少なくとも1つある場合にのみ、サイトがアノテーションされます。これらの設 定に適合するペアが存在しないサイトはアノテーションされません。

CRISPR サイトの各ペアには、Paired CRISPR score が設定されています。CRISPR アノテー ションの 1 つにマウスオーバーすると、そのサイトのペア CRISPR スコアが表示されます。この複合 スコアは、個々の CRISPR サイトの Specificity score の平均値です。複合スコアが最も高い CRISPR サイトのペアがリンクされます。各 CRISPR サイトは、2 番目のサイトが他の部位とさらに 高いスコアのペアを有していない限り、最も高いスコアのペアサイトにリンクされます。ペアサイトは 個々の CRISPR スコアではなく、Paired score に従って色付けされています。



Geneious 製品概要・フリートライアルリクエストについては<u>こちら</u>

『Geneious Prime でシークエンス解析』の過去の記事は<u>こちらでチェック!</u>